INTRODUÇÃO AO PROGRAMA MARK

Dra Maja Kajim - UFRJ; Priscilla Lóra Zangrandi

Ementa:

1. **Apresentação do programa**
   Autores, história, literatura, site na Internet, fórum
   Base teórica
   Método de amostragem: captura-marcação-recaptura (CMR)
   Introdução à teoria da informação
   Teoria de verossimilhança máxima
   Distribuição binomial, multinomial
   Índice de Akaike (AIC)

2. **Primeiros passos no MARK**
   Adequação aos dados
   Formato dos arquivos
   História de captura
   Matriz de Índice de Parâmetros (PIM)

3. **Modelagem e seleção**
   Hipótese biológica *a priori*
   Construção dos modelos
   Contagem de parâmetros
   Comparação entre modelos:

4. **Teste de Razão de Verossimilhança (LRT)**

5. **AIC – peso AIC, Ä AIC, Desviância**
   Teste de ajuste: estatística de aderência aos dados
   Correção: fator de inflação de variância
   Resultado da análise: Estimativa dos parâmetros populacionais
   Adição de covariáveis
   Modelos de população aberta *versus* modelos de população fechada
   Delineamento Robusto: vantagens da população aberta e da fechada

6. **Exemplos de análises variadas nos estudos de caso**